

# バイオ分子相互作用シミュレーター ABINIT-MP/BioStation

ABINIT-MP ver. 6.0  
BioStation Viewer ver. 15.00

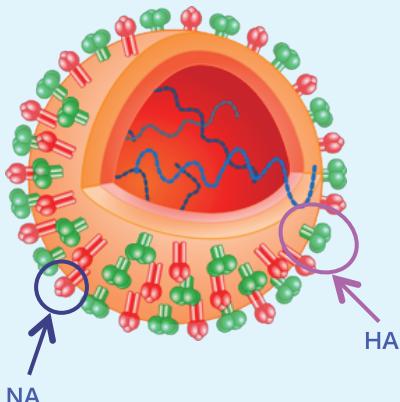
## 効率的な薬品分子設計や化合物探索を実現

フラグメント分子軌道(FMO)法に基づいて、タンパク質と化学物質との相互作用を解析  
PCクラスタからスパコンまでをカバーし、先進性と実用性を兼ね備えた量子化学計算解析ソフトウェア

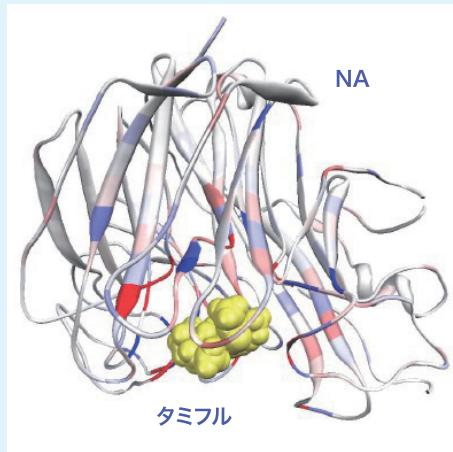
### 実証事例

#### 抗インフルエンザ薬の開発

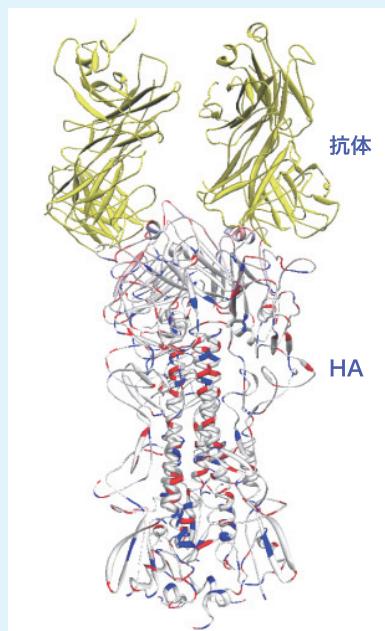
ヘマグルチニン(HA、ウイルスが吸着する過程に関わるタンパク質)と  
ノイロミニダーゼ(NA、増殖したウイルスが脱離する過程に関わるタンパク質)  
の大規模MP3計算を地球シミュレーターで実施



インフルエンザウイルス



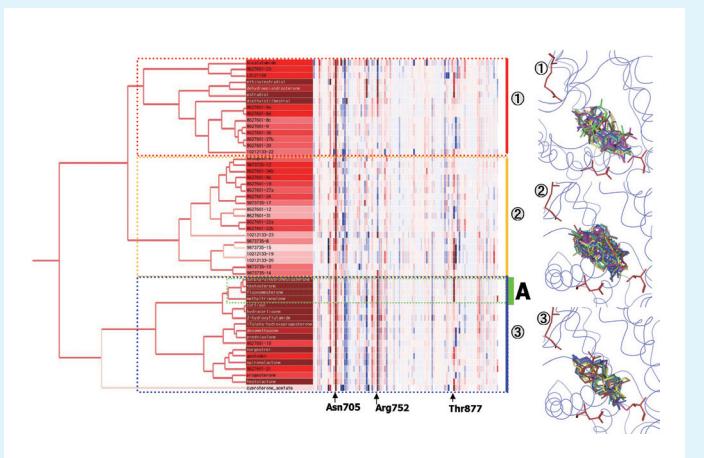
NAとタミフルとの相互作用解析が  
抗インフルエンザ薬の開発に役立つ



HA3量体とFab抗体との相互作用解析が  
ウイルスの変異予測、ワクチンの開発に役立つ

#### 医薬品化合物の類似性探索

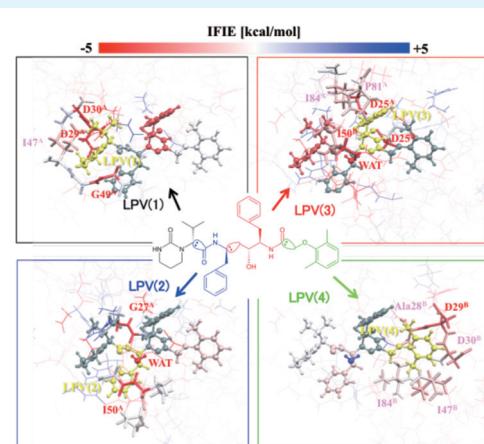
複数の医薬品化合物をタンパク質との相互作用の類似性  
によりクラスタリング  
⇒ 標的化合物(図中A)に近い化合物を探索



タンパク質-化学物質相互作用のVISCANA解析

#### FMO4法による官能基単位の詳細解析

リガンドとタンパク質間の相互作用を  
官能基単位・主鎖側鎖単位で詳細に解析することが可能

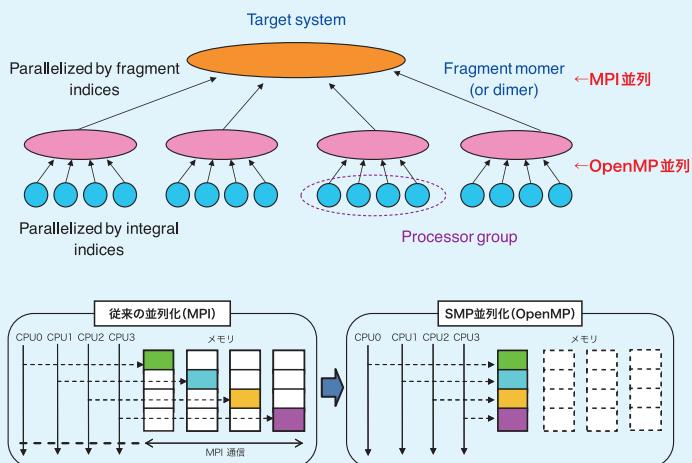


HIV-1プロテアーゼとロピナビルの間のFMO4-IFIE解析

# 特徴的機能

## FMO法による直截的な並列計算

フラグメント間をMPI、フラグメント内をOpenMPで並列化したハイブリッド並列化を実装



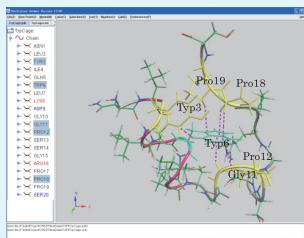
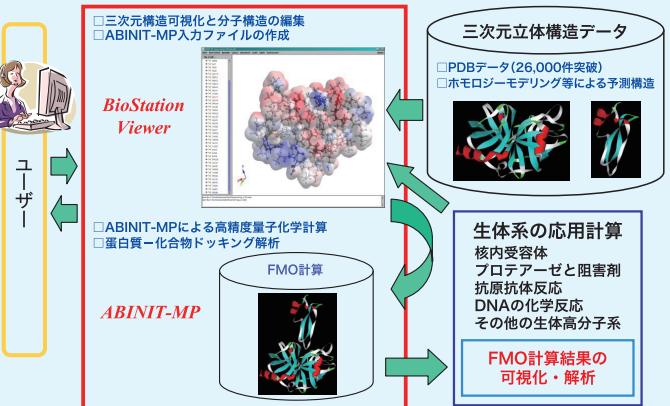
### 地球シミュレータ上の計算例

HA3量体 : FMO-MP3/6-31Gが5.8時間(128ノード(1024コア))  
NA単量体 : FMO-MP3/6-31Gが1.1時間(64ノード(512コア))  
FMO-MP3/6-31G\*が4.4時間(64ノード(512コア))

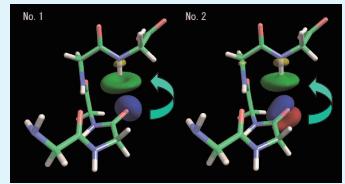
ABINIT-MPの実行効率はベクトル化という点でも非常に高く、2010年度の地球シミュレータの一般利用プログラムの中で最高性能を記録しています。

## FMO法に特化したプリポストプログラム BioStation Viewer

分子構造の編集やABINIT-MP入力ファイルの作成、FMO法/ABINIT-MP独自の結果の可視化解析が可能



CH/ $\pi$ 相互作用解析



軌道相互作用解析(CAFI)

## 機能一覧

機能項目	サポート内容
FMO法	FMO2、FMO3、FMO4
エネルギー計算	HF法、MP2法、MP3法
エネルギー勾配	HF法、MP2法
構造最適化	BFGS法、CG法、PRCG法、部分構造最適化
軌道相互作用解析	CAFI、FILM
Population解析	Mulliken電荷、NBO電荷、ESP電荷
BSSE補正	Counterpoise法
溶媒効果	Poisson-Boltzmann溶媒モデル

解析機能※	先進的特長
フラグメント間相互作用 エネルギー(IFIE)解析	フラグメント間の相互作用を定量的に解析
IFIE map	IFIEの2次元マップによる二体相互作用の網羅的解析
VISCANA	タンパク質-化学物質相互作用において、相互作用パターンの階層的クラスター解析によるリガンド類似性の抽出
CAFI	軌道レベルの電荷移動・分極相互作用解析
FILM	軌道レベルの分散相互作用解析(CH/ $\pi$ 、 $\pi$ / $\pi$ 相互作用等)
CHPI	CH/ $\pi$ 相互作用を解析・可視化
GRID	電子密度・静電ポテンシャルの可視化

※本解析機能はすべてBioStation Viewerにより可視化できます。

## 動作環境

**■ ABINIT-MP** 使用言語 : Fortran90、MPI、OpenMP  
OS : Linux(64bit)、実行バイナリ提供  
コンパイラ : intel Fortran、PGI Fortran  
スーパーコンピュータ : 地球シミュレータ(ES2)、FOCUSスパコン、「京」(2014年度から予定)  
1プロセッサ(MPIなし)でも稼動します

**■ BioStation Viewer** 使用言語 : Java、Java3D  
OS : Windows(XP/Vista/7/8)、インストーラを提供

## ドキュメント/例題データ集

ユーザー マニュアル(和英)/サンプル例題 (BioStation Viewerはモデリング機能のチュートリアル付き)

ABINIT-MP/BioStationは、国家プロジェクト等において開発され、文部科学省「HPCI戦略プログラム」分野4次世代ものづくりの補助を受け高度化・整備を進めています。

ABINIT-MPおよびBioStationは国立大学法人東京大学の登録商標です。その他の会社名、製品名等は、各社等の登録商標または商標です。



ABINIT-MP、BioStation導入、機能カスタマイズなどのコラボレーションが可能です。お気軽にお問い合わせ下さい。

<http://www.ciss.iis.u-tokyo.ac.jp/>  
e-mail : software@ciss.iis.u-tokyo.ac.jp



2013年12月